

توريث مقاومة مرض التفحم السائب في الشعير

في الصنفين ناتانس و كومبانا

محمد عبد الخالق الحمداني جمال عبد الرحمن صبار عبد الكريم محمد تقي

الملخص

أشرت نتائج التضريب بين صنف الشعير نومار ومصدري المقاومة لمرض التفحم السائب في الشعير ناتانس وكومبانا سيادة كاملة لصفة المقاومة في نباتات الجيل الأول لكلا التضريبين. أظهرت انعزالات النباتات السليمة والمصابة في أفراد الجيل الثاني لكلا التضريبين بأن صفة المقاومة يتحكم بها زوجان من المورثات مع حالة التفوق. بلغت احتمالات انعزال السليم والمصاب على فرضية ١:١٥، ١:٧٥، ١:٥٠ في تضريب نومار مع ناتانس و ٠,٧٥ في تضريب نومار مع كومبانا.

المقدمة

ينتشر مرض التفحم السائب في الشعير المنسب عن الفطر البازيدي *Ustilago nuda* (Jens.) Rostr. في معظم حقول الشعير في العالم وينسب مئوية متفاوتة قد تبلغ مستويات عالية في المواسم الرطبة. وعلى الرغم من إمكانية مكافحة هذا المرض بالمبيدات الفطرية الجهازية، إلا أن مخاطر استعمال تلك المبيدات على العاملين واحتمال تطور مقاومة لها في المسبب (١٠، ١١، ١٣)، جعل تطوير الأصناف المقاومة هو الأسلوب الأمثل في المكافحة. تكمن خطورة هذا المرض في إمكانية وحدات لقاحية (أبواغ) لسنبلة مصابة أن تصل إلى زهيرات السنبال المجاورة كلياً في أثناء مرحلة التزهير، لذلك فإن نسبة الإصابة المقبولة في حقول الأصناف المقاومة أو الخقول المعدة لإنتاج البذور المصدقة لا تتعدى ٠.٥% (٣)، مما يشير إلى حساسية أصناف الشعير وعدم صلاح معظم الخقول المذكورة في المسح العام للمرض في العراق (١) كمصادر للبذور المصدقة.

وبسبب تأثير مستويات الإصابة بعوامل العائل (مواعيد مراحل التزهير) والظروف البيئية، فقد طورت طرائق عديدة للتلوين، أبرزها التفريغ الهوائي لبادرات حديثة بعمر ٤٨-٧٢ ساعة بعد قطع أطراف أغصان رويشاتها (١٤، ٦).

وظفت هذه الطريقة في دراسات عديدة استهدفت الاستجابة المرضية (Disease response) لعوائل عديدة وتشخيص مصادر مقاومة وتحديد طبيعة المقاومة (٢، ٧، ٥، ٨). ولما كان الفطر المسبب يعتمد في نشر واحداث الإصابة على مياجمة المبايض في أثناء مرحلة التزهير، فإن فحص أجنة التراكيب الوراثية لملاحظة وجود الغزل الفطري والمساحات التي يحتلها في أنسجة الأجنة أضحت اختياراً ضرورياً لكنه ليس بديلاً لاختبار تكشف الإصابة في الخقل لمعرفة مستويات المقاومة والحساسية (١٦). استخدم أسلوباً فحص الأجنة وتكشف الإصابة في الخقل في أول دراسة أجريت في الفطر على مجموعة من أصناف وطفرات الشعير كشف فيها عن مصادر المقاومة للمرض التي تمثلت في الصنفين ناتانس وكومبانا (٢). ولغرض معرفة طبيعة المقاومة في هذين الصنفين لابد من دراسة توريث المقاومة فيهما كجزء أساسي في برنامج تطوير أصناف شعير مقاومة للمرض.

تمثل الدراسة الحالية نتائج تحليل انعزال المقاومة والحساسية في أفراد الجيل الأول والثاني للتضريب الحاصل بين الصنف نومار ومصدري المقاومة ناتانس وكومبانا.

المواد وطرائق البحث

ضرب صنف الشعير نومار مع مصدري المقاومة لمرض التفحم السائب ناتانس وكومبانا وحصل على بذور الجيل الأول. استخدمت طريقة التفريغ الهوائي (٦) في تلويث بادرات الجيل الأول والآباء، إذ عقمت البذور بمادة كلوريد الزئبق ٠,١% ثم زرعت بعد غسلها عدة مرات بالماء المقطر على ورق ترشيع مرطب داخل صحن زجاجية. حضنت الصحن بدرجة ٢٠م مع ١٢ ساعة إضاءة/يوم لمدة ٤٨ - ٧٢ ساعة. قطعت أطراف أغصان رويشات البذور النابتة (Coleoptile) وغمرت البادرات المنجروحة لمدة ٥ دقائق في معلق مائي للأبواغ التيلية للفطر *U. nuda* (٥ غم/لتر). نقلت البادرات الملوثة من المعلق إلى أوعية بلاستيكية مغلقة ذات فتحات صغيرة تسمح بخروج ودخول الهواء في أثناء عملية التفريغ الهوائي. وضعت الأوعية الحاسوبية على البادرات الملوثة في وعاء معدني مخصص للتفريغ الهوائي نوع B α T لشركة A. searle Comp. سحب الهواء بقوة ٥٠٠ ملم زئبق لمدة دقيقتين ثم أعيد فجأة. نقلت البادرات الملوثة إلى الحقل وزرعت في لوح حقلي مرطب وفي موعد متأخر (الأسبوع الثالث من كانون الأول). روعي في الزراعة تجنب حدوث تلوث للجروح حيث عوملت البادرات الملوثة كالشتلات (١٤). حسب أعداد النباتات المصابة والسليمة لكل من الآباء والجيل الأول للتضريين في طور التسبيل.

الجيل الثاني:

لوثت زهيرات السنابل السليمة في نباتات الجيل الأول وكذلك الآباء بأبواغ الفطر المسبب لمرض التفحم السائب باتباع طريقة الفرشاة (Brush method) (٤). هيئت السنابل للتلويث قبل خروجها بشكل كامل من دور البطان (Boot stage)، إذ قطعت أطراف القنايع وبطنها السفلى لتكون الزهيرات مفتوحة لاستقبال الأبواغ، مسرت سنبلة مصابة على الزهيرات وبتجاه عكسي من الأعلى إلى أسفل السنبلة المراد تلويثها وبطريقة الفرشاة. غلفت السنابل الملوثة بعد وضع سنبلة مصابة بموازاة السنبلة الملوثة لمدة أربعة أيام لضمان التلويث. جمعت بذور السنابل الملوثة في نهاية الموسم وقسمت كل مجموعة إلى قسمين بواقع ١٠٠ بذرة للقسم الواحد مجموعت الآباء والجيل الثاني للتضريين نومار × ناتانس ونومار × كومبانا. استخرجت أجنة بذور القسم الأول بعد معاملتها بـ ١٠% هيدروكسيد الصوديوم ووضعها في صبغة لاكتوفينول المغلية (٢ و ٧). فحصت الأجنة تحت المجهر قوة 100 وحددت المساحات المشغولة بالغزل الفطري للفطر *U. nuda* وحسبت أعداد الأجنة المصابة ضمن كل من المساحات صفر و ١٠ و ٢٠ و ٥٠ وأكثر من ٥٠% من مساحة الجنين.

زرعت بذور القسم الثاني ولكل مجموعة أيضاً في الحقل وبموعد متأخر. حسب في طور التسبيل أعداد النباتات المصابة والسليمة في الآباء ونباتات الجيل الثاني للتضريين. وبسبب حدوث هروب في إصابة الصنف الحساس نومار فقد استخدمت نسبة إصابة هذا الصنف كعامل تصحيح للأعداد المصابة المتوقعة في أفراد الجيل الثاني (١٩). خصعت انحرافات نباتات الجيل الثاني لكلا التضريين إلى ثلاث فرضيات وهي ٣: ١ (زوج واحد من المورثات) و ١٥: ١ (زوجان من المورثات) وأخيراً ٦٣: ١ (ثلاثة أزواج من المورثات). استخرجت قيم مربعات كاي لكل فرضية وحسبت فيها احتمالات كل فرضية. اعتمدت الفرضية المناسبة استناداً إلى أعلى الاحتمالات.

النتائج والمناقشة

أظهرت نتائج الإصابة بالفطر المسبب لمرض التفحم السائب *U. nuda* في الآباء حسامية الصنف نومار إذ بلغت نسبة الإصابة ٧١,٦% مقارنة بالمقاومة العالية للمصدرين ناتانس وكومبانا (جدول ١). أكد انعدام الإصابة في

نباتات المصدرين في هذه الدراسة النتائج المسجلة في دراسة سابقة (٢). أما أفراد الجيل الأول للتضريبين نومار × ناتانس ونومار × كومبانا فقد خلت من أية سنبلة مصابة مما يعكس سيادة كاملة لصفة المقاومة (جدول ١).

جدول ١: الاستجابة المرضية لمرض التفحم السائب في الشعير في الآباء والجيل الأول بعد التلويت الاصطناعي

النسب المئوية للإصابة في الحقل (%)	التركيبة الوراثية للآباء والجيل الأول
	<u>الآباء</u>
٧١,٦	نومار
صفر	ناتانس
صفر	كومبانا
	<u>الجيل الأول</u>
صفر	نومار × ناتانس
صفر	نومار × كومبانا

لوتت بادرات الشعير بتابع أسلوب التفرغ العشوائي (٦) وزرعت في الحقل في الاسبوع الثالث من كانون الأول بجنة شتلات.

وفي الجيل الثاني فإن فحص أجنة الآباء وأفراد الجيل الثاني أشار الى إصابة ٧٤% من أجنة الصنف نومار متوزعة بنسب ٤، ٢٠، ٢٠ و ٣٠% في المساحات ١٠، ٢٠، ٥٠ وأكثر من ٥٠% من أنسجة الأجنة على التوالي. بينما بلغت نسبة الأجنة المصابة في ناتانس و كومبانا ٦ و ٤% على التوالي مع محدودية المساحات المشغولة من الجين والتي لم تتعدى ٢٠% (جدول ٢). وعند مقارنة هذه النتائج مع نتائج أجنة أفراد الجيل الثاني لكلا التضريبين اصح لدينا وجود زيادة في نسب الأجنة المصابة ارتفعت من ٦% في الصنف ناتانس الى ٢٠% من أجنة بذور الجيل الثاني لنومار × ناتانس. بينما ازدادت نسبة الأجنة المصابة من ٤% في كومبانا الى ٢٥% في أجنة بذور الجيل الثاني للتضريب بين نومار و كومبانا، كما لوحظ وجود الغزل الفطري في ٥٠% من أنسجة بعض الأجنة مما يعكس دور الصنف الحساس نومار في احداث هذه الزيادات سواء في أعداد الأجنة المصابة أو في المساحات المشغولة من قبل الغزل الفطري، ومع ذلك لم تلاحظ أية أجنة مصابة بأكثر من ٥٠% من مساحة أنسجتها مقارنة بوجود مثل هذه الحالة في أجنة الصنف نومار (جدول ٢).

جدول ٢: المساحات المشغولة بالغزل الفطري للفطر السائب في الشعير ونسب أجنة الشعير

المجموع الكلي للأجنة المصابة (%)	المساحات المشغولة في الأجنة (%)					التركيبة الوراثية للآباء والجيل الثاني
	أكثر من ٥٠	٥٠	٢٠	١٠	صفر	
	النسب المئوية للأجنة المصابة					
						<u>الآباء</u>
٧٤	٣٠	٢٠	٢٠	٤	٢٦	نومار
٦	صفر	صفر	٤	٢	٩٤	ناتانس
٤	صفر	صفر	٣	١	٩٦	كومبانا
						<u>الجيل الثاني</u>
٢٠	صفر	٥	٨	٧	٨٠	نومار × ناتانس
٢٥	صفر	٨	٧	١٠	٧٥	نومار × كومبانا

لوتت زهورات السابل في الحقل بطريقة الفرشاة (٤). ١ حسب أعداد الأجنة المصابة والمساحات المشغولة بالغزل الفطري تحت الجير

وعلى الرغم من أهمية فحص الأجنة في أمراض التفحم السائب، إلا أن تكشف الإصابة في الحقل هو العامل الحاسم في معرفة الاستجابة المرضية للإبلاء أو أفراد الجيل الثاني، لأن كثافة الغزل الفطري والمساحات المشغولة في أنسجة الأجنة ومواقع وجود الغزل الفطري سواء في نقاط النمو أو في أغلفة الأجنة (Scutellum) هي عوامل أساسية مؤثرة في تكشف الإصابة في الحقل (١٧).

أشارت نتائج تكشف الإصابة في الحقل إلى ظهور نباتات مصابة في أفراد الجيل الثاني لكلا التضربيين (جدول ٣). فقد بلغت نسب النباتات المصابة ٣ و ٥ % على التوالي، بينما بلغت نسبة الإصابة ٦٩,١ % في الصنف نومار مع عدم ملاحظة أية منابيل مصابة في نباتات المصدرين نتانس وكومانا. ولما كانت نسبة إصابة الصنف الحساس نومار ٦٩,١ % بدلاً من ١٠٠ % فقد استخدمت هذه النسبة في تعديل الأعداد المتوقعة في أثناء حساب مربعات كاي لكل فرضية (١٩). أن قيم مربعات كاي واحتمالاتها المذكورة في جدول (٣) تؤكد أرجحية وجود زوجين من المورثات يتحكمان بصفة المقاومة لكلا المصدرين، إذ بلغت احتمالاتهما ٠,٧٥-٠,٥٠ في نتانس و ٠,٧٥ في كومانا بينما كان احتمال وجود زوج واحد من المورثات ضعيفاً جداً (أقل من ٠,٠٠٥). كما أظهرت تلك الانعزالات وجود حالة تفوق Epistasis. إن توزيع النباتات السليمة والمصابة وفقاً للنسبة ١٥ : ١ على التوالي تأكيداً إضافياً على كون الحساسية صفة متنحية بشكل كامل. وعند مقارنة نتائج تكشف الإصابة مع نتائج فحص الأجنة يتضح لنا وجود النوعين الأول والثالث من آليات المقاومة للفطر المسبب في المصدرين، واللذان يعبران عن عدم التوافق وفرط الحساسية (٨, ١٢) مع أرجحية عالية لتفاعل فرط الحساسية (٨)، إذ أن وجود الغزل الفطري في الأجنة وعدم تكشف الإصابة في الحقل يعبر عن فرط الحساسية بينما يمثل عدده تمكن الغزل الفطري من احتلال مساحات واسعة من أنسجة الأجنة عدم التوافق.

جدول ٣: انعزال المقاومة والحساسية لمرض التفحم السائب في الشعير في الجيل الثاني لتضريبي الصنف نومار مع مصدرية المقاومة بعد التلوين الاصطناعي لزهيرات منابيل الجيل الأول

الاحتمالية P	قيم مربع كاي χ^2	الانعزال المتصح		الانعزال شريف		الانعزال الملاحظ في الحقل		التضريبات وفرضيات الانعزال
		مصاب	سليم	مصاب	سليم	مصاب	سليم	
نومار × نتانس								
> ٠,٠٠٥	١٤,٢٥	١٧,٢٧	٨٢,٧٣	٢٥	٧٥	٣	٩٧	١ : ٣
٠,٥٠ - ٠,٧٥	٠,٤١٦	٤,٣١	٩٥,٦٩	٦,٢٥	٩٣,٧٥	٣	٩٧	١ : ١٥
٠,٥٠ - ٠,١٠٠	٣,٥١	١,٠٧	٩٨,٩٣	١,٥٦	٩٨,٤٤	٣	٩٧	١ : ٦٣
نومار × كومانا								
> ٠,٠٠٥	١٠,٥٣	١٧,٢٧	٨٢,٧٣	٢٥	٧٥	٥	٩٥	١ : ٣
٠,٧٥٠	٠,١١	٤,٣١	٩٥,٦٩	٦,٢٥	٩٣,٧٥	٥	٩٥	١ : ١٥
> ٠,٠٠٥	١٤,٣٨	١,٠٧	٩٨,٩٣	١,٥٦	٩٨,٤٤	٥	٩٥	١ : ٦٣
الآباء								
						٦٩,١	٣٠,٩	نومار
						صفر	١٠٠	نتانس
						صفر	١٠٠	كومانا

زرعت البذور المأخوذة من المنابيل الملوثة في الرسم السابق ؛ صححت الأعداد المتوقعة اعتماداً على نسبة إصابة الصنف الحساس نومار (١٩).

أن طبيعة المقاومة لمرض التفحم السائب في كل من ناتانس وكومبانا تشبه المقاومة الموجودة في أصناف الشعير OAC 2I و Dorsett cvs CI-13-662 (٩) فضلاً عن الصنف المعروف Jet الذي أدخل في برامج عديدة لتحسين المقاومة للمرض في مناطق مختلفة من العالم. أن عدم تكشف الإصابة في الحقل على الرغم من وجود أجنة مصابة قد لوحظ كذلك في الصنف Jet إذ بلغت إصابة الأجنة ٣٦% (١٥) وكذلك في الصنف المقاوم Tribi الذي يتحكم به زوج واحد من المورثات. فعلى الرغم من وجود ٦% أجنة مصابة إلا أن نباتات الصنف كانت خالية من أية سنبلة مصابة (١٢). ومما تجدر الإشارة إليه أن صنف كومبانا هو أحد الأصناف التفريقية للفطر المسبب لمرض التفحم السائب في الشعير *U. nuda* إضافة إلى الصنفين شارلوت تاون و Valki (١٨)، لذلك فإن مقاومة الصنف كومبانا وحاسية الصنف شارلوت تاون المسجل في دراسة سابقة (٢) يشير إلى أن السلالة السائدة للفطر المسبب لمرض التفحم السائب في الشعير هي سلالة ١.

وأخيراً فإن المصادر الوراثية المذكورة في هذه الدراسة بعد معرفة طبيعة المقاومة فيهما قد يشكلان ركناً أساسياً في برنامج تحسين صفة المقاومة لمرض التفحم السائب في الشعير لتقليل أضرار هذا المرض أولاً والابتعاد عن استعمال المبيدات الفطرية التي سجل عدم كفاءتها في المواسم الممطرة (١١) فضلاً عن وجود حالات مقاومة من قبل الفطر *U. nuda* لبعض المبيدات مثل Carboxin و Fenfuram (١٠، ١٣).

المصادر

- 1- البلداوي، عبد الستار عبد الحميد، محمد محمود العودة و محمد صادق حسن (١٩٨١). مسح عام لمرض التفحم السائب على اخنطة والشعير في العراق. الكتاب السنوي لبحوث وقاية المزروعات، ٢: ٢٥-٣٦.
- 2- الحمداني، محمد عبد الحائق، اسماعيل عباس الدليمي، محمد محي الدين صالح وعلي كريم الضائبي (١٩٩٢). استجابة بعض التراكيب الوراثية في الشعير لمرض التفحم السائب. مجلة البصرة للعلوم الزراعية ٥: ٢١٥-٢٢٢.
- 3- Agarwal, V. K. (1983). An integrated approach for the control of loose smut of wheat. Page 401 in Proc. 4th. Int. Cong. Plant. Pathol. Milbourne, Australia.
- 4- Browder, L. E. (1971). Pathogenic Specialization in Cereal Rust Fungi, Especially *Puccinia recondita* f. sp. *tritici*: Concepts, Methods of Study, and Application. Tech. Bull. No. 1432, USDA.
- 5- Gaskin, T. A. and J. F. Schafer (1962). Some histological and genetic relationships of resistance of wheat to loose smut. *Phytopa.*, 52:602-607.
- 6- Kavanagh, T. (1961). Inoculating barley seedlings with *Ustilago nuda* and wheat seedlings with *U. tritici*. *Phytopa.* 51:175-177.
- 7- Kiraly, Z.; Z. Klement; F. Solymosy and J. Voros (1974). Methods in Plant Pathology with Special Reference to Breeding for Disease Resistance. Elsevier Sci. Pub. Comp. Amsterdam, London, New York. 509 pp.
- 8- Kiraly, Z. and J. Lelley (1956). Contributions to hypersensitive reaction of wheat to loose smut (*Ustilago tritici*). *Phytopath.* 26, 143-146.

- 9- Kozera, W. and A. Roszko (1995). Inheritance of resistance to *Ustilago nuda* (Jens.) Rostr. in some spring barley cultivars. J. Appl. Gen., 36: 119-127.
- 10- Leroux, P. and G. Berthier (1988). Resistance of barley loose smut (*Ustilago nuda*) to carboxin and fenfuram. Pages 1283-1291 in Proc. 2nd. Inter. Conf. on Plant Diseases, Bordeaux, France, Nov., 1988.
- 11- Loughman, R.; E. J. Speijers; G. J. Thomas and D. J. Ballinger (1991). Chemical control of loose smut of barley and the effects of cultivar and environment on disease incidence. Aus. J. Exper. Agric., 31: 373-378.
- 12- Mumford, D. L. and D. C. Rasmusson (1963). Resistance of barley to *Ustilago nuda* after embryo infection. Phytopathology, 53: 125-128.
- 13- Newcombe, G. and P. L. Thomas (1991). Incidence of carboxin resistance in *Ustilago nuda*. Phytopa., 81: 247-250.
- 14- Pierce, A. R. (1985). Evaluation of seedling infection of barley with *Ustilago nuda*. Phytopa. 75, 965 (Abstr.).
- 15- Rasmusson, D. C. and D. L. Mumford (1961). Relationship between loose smut infection in embryos and adult plant of barley. Crop Sci., 1: 381.
- 16- Rewal, H. S. and J. S. Jhooty (1982). Correlation between embryo, seedling and field infection of loose smut of wheat. Indi. Phytopath., 35:571-573.
- 17- Shinohara, M. (1974). Anatomical studies on barley loose smut *Ustilago nuda* (Jens.) Rostrup II. Observations on the developing ovary of Tribi 1, a highly resistant barley variety artificially flower inoculated. Bull. College. Agric. Vet. Med - Nihon Univ., 31: 166-175.
- 18- Thomas, P. L. (1983). Inheritance of virulence of *Ustilago nuda* on the barley cultivars Warrior, Compana, Valkie, Keystone, and Bonanaza. Can. J. Gen. and Cytol., 25: 53-56.
- 19- Wells, S. A. (1958). Inheritance of reaction to *Ustilago hordei* (Pers.) Lagerh. in cultivated barley. Can. J. Plant. Sci., 38:45-60.

INHERITANCE OF BARLEY LOOSE SMUT RESISTANCE IN NATANS AND COMPANA CULTIVARS

M. A. Al-Hamdany J. A. Sabar A. K. Taqi

ABSTRACT

Two crosses between barley cultivar Numar with two sources of loose smut resistance Natans and Compana demonstrated the dominance nature of disease resistance in F1 progenies of both crosses. The segregation ratio of healthy and infected plants in F2 progenies of both crosses indicated that the loose smut resistance in both sources were conditioned by two gene pairs with epistasis pattern. The probabilities of 15 healthy to 1 infected plants were 0.75 to 0.50 in Numar × Natans and 0.75 in Numar × Compana, respectively.